

IDENTIFICACIÓN DE ESPECIES MEDIANTE SECUENCIACIÓN “BARCODING”



La identificación de especies empleando herramientas genéticas o **barcoding**, implica diversas ventajas respecto a los métodos tradicionales basados en la identificación de caracteres morfológicos. Estos métodos tradicionales normalmente requieren de expertos taxónomos y la inversión de mucho tiempo. Además, en muchos casos, la existencia de especies crípticas o formas larvarias/juveniles, puede producir resultados erróneos o discrepancias entre especialistas.

La identificación genética implica la selección y diseño de “primers” universales que permitan amplificar el ADN del organismo de interés, su posterior caracterización mediante métodos de secuenciación de primera generación y su asignación taxonómica frente a una base de datos.

Las aplicaciones de estas técnicas de identificación son muy diversas:

- **Identificación de especies** a partir de organismos aislados o cultivos puros. Aplicación en ejemplares ambientales o procedentes del sector agroalimentario:
 - Especies exóticas o invasoras
 - Especies crípticas
 - Especies amenazadas, en peligro de extinción o bajo figuras de protección
 - Especies patógenas o causantes de enfermedades
 - Fraudes alimentarios
 - Seguridad alimentaria

